Estudos estruturais da formação oligomérica da crotoxina e seus complexos

Structural studies of the oligomeric formation crotoxin and their complexes

Humberto A. S. Morelli¹, Carlos A. H. Fernandes¹, Ângelo J. Magro¹, Marcos R. M. Fontes¹, Renata N. Bicev², Cristiano L. P. de Oliveira², Marina B. Barioni³, Amando S. Ito³ e Roberto M. Fernandez¹

> ¹Departamento de Física e Biofísica, Instituto de Biocências, Universidade Estadual Paulista "Júlio de Mesquita Filho" (UNESP) – Botucatu (SP), Brasil. ²Departamento de Física Experimental,Instituto de Física, Universidade de São Paulo (USP) – São Paulo (SP), Brasil.

³Departamento de Física, Faculdade de Filosofia, Ciências e Letras, USP – Ribeirão Preto (SP), Brasil.

Resumo

A crotoxina é uma fosfolipase A₂ que é a principal responsável pelo efeito neurotóxico do veneno das serpentes da espécie Crotalus durissus, popularmente conhecida como cascavéis. Na crotoxina existem duas subunidades: uma ácida, não tóxica e desprovida de ação enzimática, (chamada de crotoxina A ou CA); e uma básica, tóxica com atividade enzimática (chamada de crotoxina B ou CB). O principal objetivo desse trabalho é estudo da CA, CB e do complexo CA+CB através das técnicas de Espalhamento de Raios-X a Baixo Ângulo (SAXS), absorção óptica e fluorescência estática. **Palavras-chave:** crotoxina, fosfolipases A2, relação estrutura-atividade.

Abstract

The crotoxin is a phospholipase A_2 that is the mainly responsible for the neurotoxic effect of the snakes' venom of the species Crotalus durissus, popularly known as rattlesnakes. In the crotoxin there are two subunits: an acidic, non-toxic and devoid of enzymatic action, (called crotoxin A or CA); and a basic, toxic with enzymatic activity (called crotoxin B or CB). The main objective of this work is to study the CA, CB and the complex CA + CB using the Small-Angle X-ray Scattering (SAXS), Optical absorption spectrometry and static fluorescence techniques.

Keywords: crotoxin, phospholipases A2, structure-activity relationship.

Introdução

As serpentes do gênero *Crotalus*, popularmente conhecidas no Brasil como cascavéis, estão representadas por uma única espécie com ampla distribuição geográfica, *Crotalus durissus*, que possui cinco subespécies, sendo as espécies *Crotalus durissus terrificus* e a *Crotalus durissus collilineatus* as mais conhecidas e estudadas¹. O estudo do veneno dessas serpentes é especialmente relevante, uma vez que este gênero é responsável pelo maior número de óbitos em acidentes ofídicos e seu veneno possui pronunciadas atividades neurotóxica, miotóxica e coagulante, que acarretam em paralisias musculares, insuficiência respiratória, mioglobinúria e insuficiência renal aguda, principal causa de óbito nesses envenenamentos^{2,3}. A ação neurotóxica, principal característica do veneno crotálico, é fundamentalmente produzida pela crotoxina, que é o componente responsável pela alta toxicidade do veneno, representando até 60% do peso total do veneno bruto seco⁴. Além da crotoxina, outras neurotoxinas foram isoladas do veneno de *Crotalus*, como a crotamina, a giroxina e a convulxina, cujos efeitos, caracterizados experimentalmente, não são identificados nas manifestações do envenenamento humano³.

A crotoxina é uma fosfolipase A₂ neurotóxica e miotóxica com potente atividade de bloqueio da transmissão neuromuscular através de uma ação pré-sináptica, inibindo a liberação de acetilcolina pelos impulsos nervosos, o que provoca paralisia motora e respiratória nos animais⁵⁻⁷. A crotoxina é um complexo heterodimérico composto por uma associação não-covalente entre duas subunidades: uma ácida que é conhecida como crotoxina A, CA ou crotapotina^{8,9} e uma básica que é conhecida como crotoxina B ou CB^{10,11}. Quando isoladas,

Autor correspondente: Roberto Morato Fernandez - Instituto de Biociências - Departamento de Física e Biofísica Distrito de Rubião Júnior, s/n - CEP: 18618-970 - Botucatu (SP), Brasil - Email: rmorato@ibb.unesp.br

foi demonstrado que a CB possui uma ação tóxica e enzimática menor que a crotoxina e que a crotapotina não possui ação tóxica e nem atividade enzimática¹⁰. Esta grande variação pode ocorrer devido à modificações pós-traducionais que ocorreriam em uma molécula precursora da crotoxina ou da expressão de diferentes RNAs mensageiros presentes em um único indivíduo¹². Duas dessas isoformas de crotoxina B (CB1 e CB2) foram isoladas a partir de uma biblioteca de cDNA preparada a partir de uma única glândula de veneno de Crotalus durissus terrificus¹². O sequenciamento dos aminoácidos dessas duas isoformas mostra que elas diferem em oito resíduos, resultando em diferenças em suas propriedades enzimáticas e farmacológicas¹². A isoforma CB1 se associa com alta afinidade a gualquer isoforma de CA resultando em uma crotoxina mais tóxica, mas enzimaticamente menos ativa que o complexo menos estável formado pela associação de CA com a isoforma CB26,12. Nos últimos anos, a estrutura cristalográfica da crotoxina B de Crotalus durissus terrificus foi elucidada¹³. Essa estrutura é formada por um tetrâmero formado por dois dímeros. Cada dímero, por sua vez, é formado por um monômero da isoforma CB1 e por um monômero da isoforma CB2. Essa conformação dimérica/tetramérica pode potencializar a atividade neurotóxica da CB através da criação de novos sítios de ligação que aumentariam a afinidade da CB com a membrana pré-sináptica¹³. Apesar disso, ainda não se sabe como ocorre a interação da crotapotina com a crotoxina B para a formação do complexo crotoxina. Recentemente, foi elucidada a estrutura do complexo total da crotoxina (CA+CB), onde apenas uma molécula de CB se ligaria a CA e provavelmente esta atuaria como monômeros¹⁴. A fim de se obter informações estruturais acerca da oligomerização da CB e como seria a sua interação com a CA, foram usadas as técnicas de espalhamento de raios-X a baixo ângulo (SAXS), de absorção óptica e fluorescência estática.

Materiais e Métodos

Amostras de Crotoxina A (CA), Crotoxina B (CB) e o complexo CA+CB foram preparadas em solução tampão Tris HCl, pH = 8,0, e força iônica 20 mM.

Os experimentos de SAXS foram realizados no equipamento Nanostar[™] – Bruker, localizado no Instituto de Física da Universidade de São Paulo (USP). As amostras foram analisadas a 25 °C com concentrações de aproximadamente 5 mg/mL. Estas foram acondicionadas em capilares de quartzo. Foram realizadas 27 aquisições de 600 s para cada amostra a fim de observar eventual degradação da amostra pela incidência de raio-X.

Os experimentos de absorção óptica e fluorescência estática foram realizados na Faculdade de Filosofia, Ciências e Letras da USP de Riberão Preto (SP). As amostras foram analisadas a temperatura ambiente com concentrações de aproximadamente 40 mM. Estas foram acondicionadas em cubetas de quartzo de caminho óptico 2 mm. Para as medidas de fluorescência, foi usado um comprimento de onda de excitação de 295 nm.

As funções distribuição de distâncias p(r) foram obtidas da transformada de Fourier indireta das curvas de espalhamento de raios-X, através de programa computacional desenvolvido por D. I. Svergun.

Absorção óptica foi usada para determinar o espectro de absorção das moléculas aqui estudadas. Para estas proteínas, a absorção de luz ocorre apenas para as ligações peptídicas, a fenilalanina (Phe), a tirosina (Tyr) e o triptofano (Trp), com cada grupo molecular absorvendo num intervalo específico de comprimento de onda. Para a *Phe*, a absorbância máxima ocorre em 257 nm, para a *Tyr* em 274 nm, e para o *Trp* em 280 nm.

Fluorescência estática foi usada para detectar a intensidade de luz fluorescente emitida pela excitação do Trp constante em cada uma das moléculas estudadas. Luz polarizada na excitação e emissão das moléculas foram usadas para a determinação do grau de anisotropia das mesmas. Medidas de anisotropia dão informações sobre o tamanho e forma das proteínas e sua difusão rotacional. Quanto maior é o valor da anisotropia, menor é a difusão rotacional.

Resultados

São apresentadas as Figuras 1 e 2, referentes as curvas da intensidade de espalhamento l(q) em função do vetor de espalhamento q, e as funções distribuição de distâncias p(r), respectivamente, para as amostras CA, CB e o complexo CA+CB. Já a Figura 3 e 4 representam variação da absorbância A em função do comprimento de onda l e a intensidade fluorescente do Trp em função do comprimento de onda de emissão I, respectivamente. Já a Figura 5, apresenta a anisotropia fluorescente do Trp em função do comprimento de onda de emissão I.



Figura 1. Curva de espalhamento de raio-X a baixo ângulo para as amostras CA, CB, e o complexo CA+CB.



Figura 2. Função distribuição de distâncias para as amostras CA, CB, e o complexo CA+CB.



Figura 3. variação da absorbância A em função do comprimento de onda I para as amostras CA, CB, e do complexo CA+CB.

Discussão e Conclusões

Na Figura 1, através da transformada de Fourier indireta das curvas de espalhamento foi possível obter as funções distribuição de distâncias (ver Figura 2). Da Figura 2 observa-se que as amostras têm dimensão máxima de aproximadamente 55 Å para a CA, 75 Å para a CB e 70 Å para o complexo CA+CB. Além disso, o raio de giro obtido para a CA é de R_g = 16,35±0,05 Å e o peso molecular de MW= 22 ± 4 kDa. Para a CB, R_g = 25,69±0,03 Å e MW= 42 ± 8 kDa e para o complexo R_g = 21,37±0,05 Å e MW= 35 ± 7 kDa.

Já com base na Figura 3, os espectros são resultantes da absorção das ligações peptídicas, da *Phe*, da *Tyr* e do *Trp*. As diferenças nos espectros observados entre as proteínas estudadas podem estar relacionadas as diferenças do ambiente molecular em que tais grupos absorvedores se encontram. Em relação a Figura 4, o valor máximo da intensidade fluorescente do complexo



Figura 4. A intensidade fluorescente do Trp em função do comprimento de onda de emissão I para as amostras CA, CB, e do complexo CA+CB.



Figura 5. Anisotropia fluorescente do Trp para as amostras CA, CB e o complexo CA+CB, diluídas em solução tampão Tris HCI.

é observado em 344 nm, e da CA e CB em torno de 351 nm. Tal diferenca se deve à mudanca do ambiente molecular do Trp. Isoladamente o Trp da CA e CB encontra-se num ambiente polar. Quando ambas as crotoxinas se complexam, o Trp é observado em um ambiente menos polar. A intensidade fluorescente da CB é maior que a CA. Isso está de acordo com a quantidade de Trp encontrado em cada uma das amostras (1 para CA e 3 para CB). No entanto, para o complexo, observa-se uma intensidade fluorescente muito menor do que as crotoxinas isoladas. Pode-se associar a uma elevação da taxa de decaimento não radiativo ou supressão colisional. Já em relação à Figura 5, a CA apresenta um valor médio aproximado de 0,75, a CB um valor médio de 0,95, e o complexo CA+CB um valor médio de 0,11, de acordo com o tamanho de cada proteína (maior proteína, menor movimento de difusão rotacional da mesma, e conseqüentemente maior é o valor da anisotropia).

A análise de SAXS mostra que o complexo possui uma dimensão máxima ligeiramente menor que a CB. Isso pode estar associado ao processo oligomerização do complexo, reduzindo assim o seu volume. Esse resultado também é observado por anisotropia de fluorescência que mostra valores médios da CB e complexo bastante similares. A análise das medidas de fluorescência mostra que na complexação das proteínas CA e CB, o *Trp* se dirige para um ambiente hidrofóbico, diferente de seu comportamento quando analisadas isoladas. Nesse processo de complexação, a mudança do ambiente molecular do *Trp* leva a uma redução da taxa de decaimento fluorescente devido a processos ainda não esclarecidos.

Referências

- Melgarejo AR, Serpentes Peçonhentas do Brasil. In: Cardoso JLC, França FOS, Wen FH, Málaque CMS, Haddad Jr. V. Editors., Animais Peçonhentos no Brasil. São Paulo, Sarvier; 2003.
- Araújo FAA, Santalúcia M, Cabral RF, Epidemiologia dos Acidentes por Animais Peçonhentos. In: Cardoso JLC, França FOS, Wen FH, Málaque CMS, Haddad Jr. V. Editors., Animais Peçonhentos no Brasil. São Paulo, Sarvier; 2003.
- Azevedo-Marques MM, Hering SE, Cupo P, Acidente crotálico. In: Cardoso JLC, França FOS, Wen FH, Málaque CMS, Haddad Jr. V. Editors., Animais Peçonhentos no Brasil. São Paulo, Sarvier; 2003.
- Breithaupt H., Enzymatic characteristics of crotalus phospholipase A2 and the crotoxin complex, Toxicon. 1976;14(3):221-33.

- Vital-Brasil O, Excell BJ, Action of crotoxin and crotactin from the venom of Crotalus durissus terrificus (South America rattlesnake) on the frog neuromuscular junction. J Physiol. 1971;212:34-5.
- Faure G, Harvey AL, Thomson E, Saliou B, Radvanyi F, Bon C. Comparison of crotoxin isoforms reveals that stability of the complex plays a major role in its pharmacological action. Eur J Biochem. 1993;214:491-6.
- Hawgood BJ, Smith JW. The mode of action at the mouse neuromuscular junction of the phospholipase A-crotapotin complex isolated from venom of the South American rattlesnake. Br J Pharmacol. 1977;61(4):597-606.
- Aird SD, Kaiser II. Comparative studies on three rattlesnake toxins. Toxicon. 1985;23(3):361-74.
- Aird SD, Yates JR, 3rd, Martino PA, Shabanowitz J, Hunt DF, Kaiser II. The amino acid sequence of the acidic subunit B-chain of crotoxin. Biochim Biophys Acta. 1990;1040(2):217-24.
- Hendon RA, Fraenkel-Conrat H. Biological roles of the two components of crotoxin, Proc Natl Acad Sci U S A 1971;68(7):1560-3.
- Aird SD, Kaiser II, Lewis RV, Kruggel WG, A complete amino acid sequence for the basic subunit of crotoxin., Arch Biochem Biophys. 1986;249(2):296-300.
- Faure G, Choumet V, Bouchier C, Camoin L, Guillaume JL, Monegier B, et al. The origin of the diversity of crotoxin isoforms in the venom of Crotalus durissus terrificus. Eur J Biochem 1994;223(1):161-4.
- Marchi-Salvador DP, Correa LC, Magro AJ, Oliveira CZ, Soares AM, Fontes MR. Insights into the role of oligomeric state on the biological activities of crotoxin: crystal structure of a tetrameric phospholipase A2 formed by two isoforms of crotoxin B from Crotalus durissus terrificus venom. Proteins. 2008;72(3):883-91.
- Faure G, Xu H, Saul FA. Crystal structure of crotoxin reveals key residues involved in the stability and toxicity of this potent heterodimeric β-neurotoxin. J Mol Biol. 2011;412(2):176-91.